

tilibit nanosystems GmbH
Lichtenbergstraße 8
DE 85748 Garching b. München
Germany
info@tilibit.com

single-stranded scaffold DNA type p7560
0.5 ml at 100 nM

Conc.: 100 nM

Store at -20°C

Vol.: 500 µl

Amount: 50 pmol (117 µg)

Product No.: M1-30

Lot No.: M1-3-3

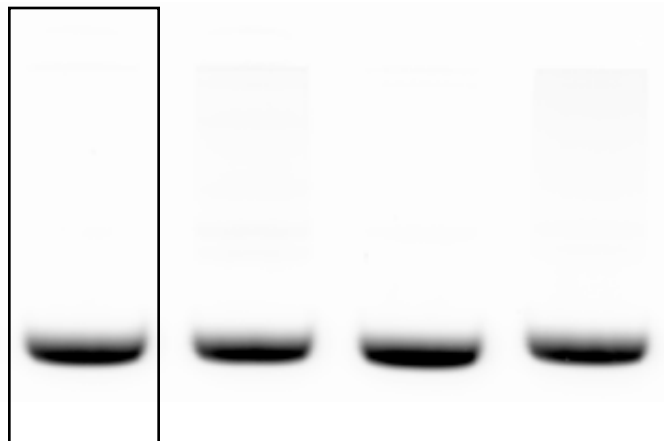
Description: 50 pmol of single-stranded, circular DNA. The single-stranded viral DNA is isolated from a M13mp18 derivative. M13mp18 is a M13 lac phage vector. Length 7560 bases. See below for the sequence of bases. Volume is sufficient for 25 'standard' (20 nM, 100 µl) DNA origami folding reactions.

Normalised to 100 nM (233 µg/ml) concentration. Dissolved in buffer containing 10 mM TRIS-BASE, 1 mM EDTA. Ready to use for DNA self-assembly experiments.

Quality control by agarose gel electrophoresis. Let equilibrate after thawing. Avoid shearing, pipet gently.

type p7560

Lot M1-3-3



Photograph of an Ethidium-Bromide stained 2% agarose gel on which several purified scaffold DNA samples were electrophoresed.

Exemplary references for usage:

Rothemund, PWK: "Folding DNA to create nanoscale shapes and patterns" -- Nature. 2006 Mar 16; 440(7082):297-302

Douglas, SM; Dietz, H; Liedl, T; Högberg, B; Graf, F; Shih, WM: "Self-assembly of DNA into nanoscale three-dimensional shapes" -- Nature. 2009 May 21; 459(7245):414-418

Detailed usage recipes:

Castro CE, et al: "A primer to scaffolded DNA origami" — Nature Methods. 2011 Mar; 8(3):221-9

Sequence:

AGCTTGGCACTGGCCGTCGTTTTACAACGTCGTGACTGGGAAACCCCTGGCGTTACCCAACCTAATGCCTTGCAGCACATCCCCTTTCCGCCAGCTGGCGTAATAGCGAAGAGGCCCGCCAGCCGATCGCC
CTTCCCAACAGTTGGCAGCCTGAATGGCGAATGGCGCTTTGCCTGGTTTCGGCCACCAAGCGGTGGCGGAAAGCTGGCTGGAGTGGCATCTTCTGAGGCCGATACTGTGTCGTCGCCCTCAAAC
GGCAGATGCACGGTTACGATGCGCCCATCTACACCAACGTCGACCTATCCCATACGGTCAATCCGCGGTTTGTCCACGGAGAATCCGACGGGTTGTTACTCGCTCACATTTAATGTGAAAGCTGGCT
ACAGGAAGGCCAGACCGCAATTTTTGATGGCGTTCCTATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTAATGCGAATTTAACAAAAATTAACGTTTACAATTTAAATATTTGCTTATACATCTTCTGTT
TTTGGGGCTTTCTGATTATCAACCGGGTACATATGATTGACATGTAGTTTTACGATTACCGTTCATCGATTCTTGTGTTGCTCCAGACTCTCAGGCAATGACCTGATAGCCTTTGTAGATCTCTCAAAAATAG
CTACCCCTCCCGGCATTAATTCAGCTAGAACGGTTGAATATCATATTGATGGTGATTGACTGTCTCCGGCTTTCTCACCCCTTTTGAATCTTTACCTACACATTACTCAGGCATTGCATTTAAAATATATGAGG
GTTCTAAAAATTTTATCCCTTCCGCTTCCCGCAAAAGTATTACAGGGTCATAATGTTTTTGGTACAACCGATTAGCTTTATGCTCGAGGCTTTATGCTTAAITTTGGTAATCTTTGGCCTTTG
CCTGTATGATTATTGGATGTAATGCTACTACTATTAGTAGAATTGATGCCACCTTTTACGCTCGCCCAAAATGAAAATATAGCTAAACAGGTTATTGACCATTGCGAAATGATCTAATGGTCAAACCTAAATCT
ACTCGTTCCGAGAATTTGGGAATCAACTGTTATATGGAATGAACTTCCAGACACCGTACTTTAGTGCATATTTAAACATGTTGAGCTACAGCATATATTCAGCAATTAAGCTCTAAGCCATCCGCAAAAATGAC
CTCTTATCAAAAGGAGCAATTAAGGTAAGTCTCTAATCCTGACCTGTTGGAGTTTGTCCGGCTCGGTTGCTTTGAAGCTCGAATTAACAGCGGATATTGAAGCTTTCCGGCTTCTCTAATCTTTTGTAT
GCAATCCGCTTTGCTTCTGACTATAATAGTCAGGGTAAAGACCTGATTTTTGATTATGGTCATTCGTTTTCTGAACTGTTTAAAGCATTTGAGGGGATTAATGAATATTTATGACGATTCGCGAGTTGGAC
GCTATCCAGTCTAAACATTTACTATTACCCCTCTGGCAAAACCTCTTTTGAAGCCCTCTCGCTATTTTGGTTTTATGCTGCTGCTGTAACAGGAGGTTATGATAGTGTGCTCTTACTATGCTCGTAATTC
TTTTGGCGTTATGATCTGCATTAAGTTGAATGTGGTATCCATAATCTCAACTGATGAATCTTTTACCTGTAATAATGTTGTTCCGTTAGTTCGTTTATTAACGTAGATTTTTCTCCCAACGCTCTGACTGGTATAA
TGAGCCAGTCTTAAAAATCGCATAAGGTAATCACAATGATTAAGTTGAAATTAACCATCTCAAGCCCAATTTACTACTCGTCTGGTGTCTGTCAGGGCAAGCCCTATTCACTGAATGAGCAGCTTTGTTA
GTTTTAATACITTTCTGTTTCAAGAAATAGGTTTCCGAAATGAGTACTTGTATGAGGATGAGCAAGCTGATAACCGGATCAAAATGAGCGAAGCTTTTGGAGCTTTTGGAGCTTTTGAAGATTTTCAACGTA
CCGCTCGCCCTCGTTCCGGCTAAGTAACATGAGCAGGTCGGGATTTGACACAATTTATCAGCGATGATACAATCTCCGTTGTACTTTGTTTCCGCTTGGTATAATCGCTGGGGGTCAAAGATGAGT
GTTTTAGGTATCTTTTGCCTCTTTCGTTTAGGTTGGTGCTTCGTAGTGGCATTACGATTTTACCCTTTAATGAAACTTCCTCATGAAAAAGTCTTTAGTCCCTCAAGGCTCTGTAGCCGTTGCTACCCCTC
GTTCCGATGCTGCTTTGCTGCTGAGGGTGAAGTCCCGCAAAAGCGCCCTTAACTCCCTGCAAGCCTCAGCGACCGCAATATATCGGTTATGCGTGGCGATGGTTGTTGTCATTGTCGGCGCAACTAC
GGATCAAGCTTTTAAAGAAATCACCTCGAAGCAAGCTGATAACCGGATCAAAATGAGCGAAGCTTTTGGAGCTTTTGGAGCTTTTGAAGATTTTCAACGTAATAATTTCCGCTCAATTTACCTCCCTCCCTCAATCGGTT
CTATTCTCACTCCGCTGAACTGTTGAAAGTTGTTAGCAAAATCCCATACAGAAAATTCATTACTAACGCTGGAAGAGCAGCAAAAATTTAGATCGTTACGCTAACTATGAGGGCTGTCTGGAATGCTACA
GGCGTTGTAGTTGTACTGGTGAACAACTCAGTGTACGCTACATGGGTTCCCTATTGGCTGTGATCCCTGAAATGAGGGTGGTGGCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGTTG
CGGTACTAAACCTCCTGAGTACGGTATACACCTATCCGGGCTACTATATCAACCCCTCTCAGCGGCATTTTCCGCTGGTACTGAGCAAAACCCCGCTAATCCTAATCCTTCTTGGAGGCTCTCAGC
GTTTTAATACITTTCTGTTTCAAGAAATAGGTTTCCGAAATGAGCAGGGGCGCATTAACCTGTTTATACGGCCACTGTTACTACAGGCAAGCTGACCCCGTAAACCTTATACCAGTACACTCCTGATCATCAAAAGC
CATGTATGACGCTTACTGGAACGGTAAATTCAGAGACTCGCTTTCCATTCTGGCTTTAATGAGGATTTATTTGTTGTGAATATCAAGGCAATCGTCTGACCTGCCTCAACCTCCTGTCAATGCTGGCGGCG
GCTCTGGTGGTGGTCTGCTGGCGGCTCTGAGGTGGTGGCTCTGAGGGTGGCGGTTCTGAGGGTGGCGGCTCTGAGGGAGGCGGTTCCGGTGGTGGCTCTGGTTCCGGTGATTTGATTATGAAAAAGA
TGGCAACCGCTAATAAGGGGCTATGACCGAAATCCGATGAAAACCGCTACAGCTGACGCTAAAGGCAAACTGATTCGTGCTGCTACTGATACGGTGTGCTATCGATGGTTTCATTGGTGACGTTTTC
CGCCCTGCTAATGGTAATGGTCTACTGTTGTTGCTGGCTTAATCCCAAATGGCTCAAGTGGTGGAGCGGTAATTCACCCTTAATGAATAATTTCCGCTCAATTTACCTCCCTCCCTCAATCGGTT
GAATGTCGCCCTTTTGTCTTTGGCGCTGGTAAACCATATGAATTTTCTATTGATTGTGACAAAATAAATCTATTCCGTTGGTGTCTTTGCGTTTTCTTTATATGTTGCCACCTTTATGATGATTTTCTACGTTTGTAA
CATACTGCGTAATAAGGAGTCTTAATCATGCCAGTCTTTTGGGTTATCCGTTATATTGCGTTTCCCTCGGTTTCTTCTGTAACCTTTGTTCCGGCTATCTGCTTACTTTTCTAAAAAGGGCTCGGTAAGATAGCT
ATTGCTATTTCAITTTCTTGTCTTATTATTGGGCTTAACTCAATCTTGTGGTTATCTCTGATATTAGCGCTCAATACCCTCTGACTTTGTTGAGGGTGTTCAGTTAATCTCCCGCTAATGCGCTTCCCT
GTTTTATGTTATCTCTCTGTAAGGCTGCTATTTCATTTTGGAGTTAAACAAAAATCGTTTTCTATTGGATTGGGATAAATAATGCTGTTTTATTGTAACCTGGCAAATGAGCTCTGGAAGAGCCTGCT
TAGCGTTGGTAAGATTGAGGATAAAATGAGTGGGTGCAAAATAGCAACTAATCTTGATTAAAGGCTTCAAAACCTCCCGCAAGTCCGGAGGTTGCTAAAACCGCTCGCTTTTGAATAACCGGATAAGC
CTTCTATATCTGATTGCTGCTATTGGCGCGGTAATGATCTCAGATGAAAATAAAAACGGCTTCTGTTTCTGATGAGTGCAGGTTGTTAATACCCGTTCTTGAATGATAAGGAAAGACAGCCGAT
TATTGATTGGTTTCTACATGCTCGTAAATAGGATGGGATATATTTTTCTGTTCCAGACTTATCTATTGTTGATAAACAGGCGGTTCTGCATTAGCTGAACATGTTGTTTATTGCTGCTGAGCAGAACTACT
TTACCTTTTGTGCGTACTTATATCTCTTAACTGGCTCGAAAATGCCTCTGCCTAAATATGATTTGGGCTTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTAAATGAGGCTTCTCAATTAAGCCCTTCTGAAAGGATAAT
TGTATAACGCATATGATACTAAACAGGCTTTTCTAGTAATATGATTCCGGTGTATTCTTATTAAAGCCTTATTATCACACGGTCCGTTTCAAACCTTAAATTTAGTGCAGAAGATGAAATTAATAAAATAT
ATTTGAAAAAGTTTCTCGCGTTCTTGTCTTCCGATTTGATTTCAAGGATTTAAGGAAAAATTAATTAATAGCGACGATTACAGAAAGCAAGGTTATTCACTCACATATGATTATGATGACTGTTCCATTTAAAAAGGT
AATTCAAATGAAATTTGTAATGTAATTAATTTGTTTTCTTGTGATGTTTTGTTTCTCATCTCTTTTGTCTCAGGTAATGAAATGAAATTTCCGCTTCCGCGGATTTGTAAGCTGGTAITCAAAGCAATCAGCGCAAT
CCGTATTGTTTCTCCCGATGTAAGGTAAGTACTGTTACTGATATCATCTGACGTTAAACCTGAAAAATCTACGCAATTTCTTATTCTGTTTTACGTCGCAATAATTTGATATGGTAGGTTCTAACCCCTCCATTATT
CAGAAGTATAATCCAAACAATCAGGATATATTGATGAATGCCATCATCTGATAATCAGGAATATGATGATAATCCGCTCCTTCTGTTGTTTCTGTTCCGCAAAATGATAATGTTACTCAAACCTTTAAAAATTA
TAACGTTCCGGCAAGGATTTAATACGAGTTGTCGAATTTGTTGAAAGTCTAATACTTCAAATCCTCAAATGATATCTATTGACGGCTCAATCTATTAGTTGTTAGTGTCTCTAAAGATATTTAGATAACCTCT
CTCAATTCCTTCAAACCTTTGATTTGCAACCTGACCGAGATATGATTGAGGGTTGATATTGAGGTTGAGGTTGAGCAAGGTGATGCTTTAGATTTTCTATTGCTGCTGCTCAGCGTGGCAGCTGTTGACGGCGGTG
TTAATACTGACCGCTCACCTCTGTTTTATCTTCTGCTGGTGGTTGTTCCGGTATTTTAAATGGCGATGTTTTAGGGCTATCAGTTCCGCGCATTAAGACTAATAGCCATCAAAAATATGCTGTGCCACGTAAT
CTTACGCTTTACAGGTCAGAGGGTTCTATCTGTTGGCCAGAATGCCCTTTTAACTAGTGGTGTGACTGGTGAATCTGCCAATGTAATAATCAATTTGACAGCATGAGCGTCAAATGAGGATTTGCAAGGATTTCCA
TGAGCGTTTTTCTGTTGCAATGGCTGGCGGTAATATTGTTCTGGATATACCAGCAAGCCGATAGTTTGGAGTCTTCTACTCAGGCAAGTATGATTACTAATCAAAAAGATTGCTACAACGGTTAATTT
CGTGATGGACAGACTTTTACTCGGTGGCTCACTGATTAATAAACACTTCTCAGGATTTCTGGCTGACCGTACCGTTCTGCTAAAATCCCTTAACTCCGCTTAACTCCGCTCTGTTAGCTCCCGCTCTGATTCTAACAGGAA
AGCAGCTTATACGCTGCTGCAAAAGCAACCATAGTACGCGCCCTGTAGCGCGCATTAAGCGCGCGGGTGTGGTGGTTACGCGCAGCGTACCGCTACACTTGCAGCGCCCTAGCGCCCGCTCCTTTT
GCTTCTTCCCTTCTTCTCGCCAGCTTCCGCGGCTTTCCCGCTCAAGCTCTAATAGGGGGCTCCCTTAGGGTCCGATTTAGTCTTACGGCACCTCGACCCCAAAAACCTGATTGGGGTATGAGGTT
CACGTAGTGGCCATCGCCCTGATAGCAGGTTTTTCCGCCCTTTCAGCTGGAGTCCAGCTTTTAAATAGTGGACTTTGTTCCAACTGGAACAACAACCTCAACCTTATCTCGGGCTATTCTTTGATTATAAG
GGATTTTGGCAATTTCCGAAACCACTCAACAGGATTTTCCGCTGCTGGGGCAAAACAGCGCTGACCGCTTGTGCAACTCTCAGGGCCAGCGGTGAGGGGCAATCAGCTGTTGCCGCTCACTG
GTGAAAAAGAAAACCCCTGGCGCCCAATACGCAAAACCGCCTCTCCCGCGCGTTGGCCGATTCTAATGACGCTGGACAGCAGGTTTTCCGACTGGAAGAGCGGCAAGTGAAGCGCAACGCAATTAAT
GTGAGTTAGCTCACTATTAGCACCCAGGCTTTACACTTTATGCTTCCGGCTCGATGTTGTGGAATTTGAGCGGATAACAATTTACACAGGAAACAGCTATGACCATGATGCAATTTGAGCTCGGCTCGG
TACCAGGGATCCTCGCTTTATCGAGTAAACAGCACCAGTACTTAAAGCCCTGTTTACTCATTACCAACCAAGGAGGTCAGAGTTCCGGAGAATGATTATGTAATGCGTCAAGCGGATTAAGGCC
CCTATTTGTCGCCACCGACCTGCTTACAGATGGCAGGGCCGACTGTCGATGATGCTGCTCAGGCGAGCTGAAATAGATGAAAGCGGGGTTATTTGGCGGGACATTGCTATAAGGTTGA
CAAITTGCCTAAGGACACTTAAGTCTGCGCATGAAITTCACAACCACTTAGAAGACATACACCTGACCTTCTCTCGAGA